

This abstract has been translated and adapted from the original English-language content. Translated content is provided on an "as is" basis. Translation accuracy or reliability is not guaranteed or implied. BMJ is not responsible for any errors and omissions arising from translation to the fullest extent permitted by law, BMJ shall not incur any liability, including without limitation, liability for damages, arising from the translated text.

Résumé **Objet:** Résumer les performance de la plateforme Idylla dans le diagnostic des mutations de *BRAF* , *NRAS* , *KRAS* et *EGFR* dans les prélèvements de cancer.

Méthodes: Nous avons collecté les données de 18 études de la littérature médicale comparant Idylla à d'autres méthodes pour la recherche de mutations d'oncogènes dans les prélèvements de cancer.

Résultats: Seulement 1,9% d'environ 2500 tests Idylla étaient non contributifs. Les performances d'Idylla étaient excellentes dans l'analyse de *BRAF* , *NRAS* , *KRAS* et *EGFR* avec un taux de concordance par rapport aux méthodes de référence de 94,8%. Des analyses complémentaires sur les cas discordants (5,2%) confirmaient les résultats d'Idylla dans environ la moitié des cas.

Conclusions: Moins d'une journée d'analyse est requise pour que la plateforme de diagnostic rapide totalement automatisée Idylla puisse orienter le traitement des patients atteints de mélanome (*BRAF* et *NRAS*), de cancer colorectal (*KRAS* , *NRAS* et *BRAF*) ou de cancer pulmonaire non à petites cellules (*EGFR* et *KRAS*) de stades avancés.